

ANALÝZA 17 MS LOKUSŮ STAROKLADRUBSKÉHO A HUCULSKÉHO KONĚ – GENOVÝCH ZDROJŮ ČR

Vrtková, I., Putnová, L.

Laboratoř agrogenomiky, Mendelova Univerzita Brno

Lokus	STKL			HUCUL				
	Na		Ne	Ho	Na		Ne	Ho
AHT4	7	H,J,K,M,N,O,P	4.871	0.794	11	F,H,I,J,K,L,M,N,O,P,R	6.330	0.839
AHT5	6	J,K,L,M, N,O	3.663	0.688	7	H,J,K,L,M,N,O	5.018	0.788
HMS1	4	I,J,M,N	2.139	0.542	7	I,J,K,L,M,N,Q	2.708	0.597
HMS2	6	H,I,K,L,M,R	3.471	0.740	8	H,I,J,K,L,M,P,R	4.585	0.781
HMS3	7	I,M,N,O,P,Q,R	3.623	0.767	8	I,M,N,O,P,Q,R,S	5.193	0.884
HMS6	5	K,L,M,O,P	3.168	0.696	6	K,L,M,N,O,P	3.070	0.701
HMS7	6	J,K,L,M,N,O	3.548	0.700	7	J,K,L,M,N,O,Q	2.731	0.607
HTG4	5	K,L,M,N,O	4.378	0.711	6	K,L,M,N,O,P	3.958	0.797
HTG6	5	G,I,J,M,O	2.056	0.522	8	G,I,J,M,N,O,P,R	2.262	0.539
HTG7	4	K,M,N,O	1.830	0.390	5	I,K,M,N,O	2.556	0.582
HTG10	9	I,K,L,M,O,P,R,S,T	2.916	0.706	10	I,K,L,M,N,O,P,Q,R,S	3.848	0.798
VHL20	7	I,L,M,N,P,Q,R	6.238	0.813	10	I,J,K,L,M,N,O,P,Q,R	7.173	0.848
ASB2	6	I,K,M,N,O,Q	4.985	0.797	10	B,I,J,K,M,N,O,P,Q,R	4.645	0.794
ASB17	9	F,H,I,K,M,N,O,Q,R	4.093	0.755	14	F,G,I,J,K,M,N,O,P,Q,R,S,T,W	5.761	0.767
ASB23	7	G,I,J,L,R,S,U	4.292	0.778	10	H,I,J,K,L,Q,R,S,T,U	5.547	0.917
CA425	5	J,L,M,N,O	2.365	0.610	11	F,G,H,I,J,K,L,M,N,O,P	5.117	0.828
LEX3	5	J,K,L,M,N	2.616	0.502	9	F,H,I,K,L,M,N,O,P	4.553	0.522

Na – počet alel

Ne – efektivní počet alel

Ho – skutečná heterozygotnost

Analyzované soubory: starokladrubský kůň (STKL, 253 ks), huculský kůň (HUCUL 429 ks). Nejvyšší skutečná heterozygotnost byla nalezena u plemene STKL v lokusu VHL20 0,81, u plemene HUCUL v lokusu ASB23 0,92. Nejnižší skutečná heterozygotnost u plemene STKL v lokusu HTG7 0,39, u plemene HUCUL v lokusu HTG6 0,54.

Stanovení 17 MS lokusů koní – ukázka výstupu z automatického analyzátoru DNA

